

# Ingénieur de recherche en analyse de données (F/H)

Concours externes 2025 – Ingénieurs et techniciens - Profil de poste – Concours IR n°1 – 2 postes

**Emploi-type** Ingénieur biologiste en analyse de données

**Corps** IR - Ingénieur de recherche

**BAP** A – Sciences du vivant, de la terre et de l'environnement

**Spécialité** **Bio-informatique**

**RIFSEEP (régime indemnitaire fonctionnaire)** Cotation IFSE : Ingénieur en analyse de données / enquêtes  
Groupe : 2  
Domaine : Laboratoire

**Affectation** **Unité 1052 - Centre de recherche en cancérologie de Lyon (CRCL), Lyon**

**A propos de la Structure**

Le Centre de Recherche en Cancérologie de Lyon (UMR Inserm 1052 – CNRS 5286 – Centre Léon Bérard – UCBL) est une structure de recherche sur le cancer, labellisée par l'Université Claude Bernard Lyon 1, l'Inserm, le CNRS, le Centre Léon Bérard et avec pour partenaire hospitalier les Hospices Civils de Lyon.

Le CRCL a ouvert ses portes en janvier 2011 avec notamment pour ambition d'accroître la reconnaissance internationale et l'attractivité du site, de faciliter le transfert des connaissances vers la clinique et l'industrie, et de développer l'enseignement et la formation.

Le CRCL est composé de 26 équipes de recherche, abritant plus de 600 personnels dont 150 chercheurs et enseignants-chercheurs.

Un des objectifs majeurs du CRCL est de soutenir le développement d'une recherche translationnelle forte, au service des personnes malades. Ce transfert de savoirs est rendu possible grâce à la forte implication des médecins cliniciens et pathologistes du Centre Léon Bérard et des Hospices Civils de Lyon au sein des équipes scientifiques, créant ainsi un vrai continuum entre la recherche fondamentale et les applications cliniques.

**Missions**

L'ingénieure de recherche en bio-informatique ou l'ingénieur de recherche en bio-informatique aura en charge la conception et la réalisation des analyses des données obtenues dans le cadre de projets de recherche sur le cancer, sur diverses problématiques visant à mieux comprendre la susceptibilité, l'initiation, la progression et la plasticité tumorale. Il/elle aura également en charge la modélisation de systèmes biologiques, l'analyse d'images et la biologie systémique en oncologie. La personne recrutée sera intégrée dans une plateforme dédiée accueillant des bio-informaticiens et des biostatisticiens, et sera en collaboration étroite avec les biologistes et des cliniciens du CRCL.

**Activités principales**

Définition de plans d'analyses bio-informatiques avec les chercheurs pour répondre aux questions biologiques et cliniques :

- Réaliser et/ou encadrer la réalisation des analyses bioinformatiques du séquençage de nouvelle génération (NGS) principalement pour caractériser les profils génomiques et d'expression génique des tumeurs et de leur transformation.
- Concevoir et implémenter en équipe de nouveaux pipelines et/ou méthodes statistiques pour traiter les données (RNA-seq, DNA-seq, Single-Cell).
- Conseiller les utilisateurs sur les possibilités et limites des techniques disponibles.
- Communiquer les résultats dans des rapports scientifiques, des séminaires et participer à la rédaction des articles scientifiques.
- Animer des réseaux professionnels d'échange de compétences.
- Appliquer et faire appliquer les bonnes pratiques en matière de développement logiciel et d'usage des ressources informatique.

### Activités associées

### Connaissances

- Bonne connaissance en analyses génomiques et transcriptomique
- Connaissance souhaitée en analyse des bases de données publiques omiques (p.ex. TCGA, ICGC, EGA, COSMIC)
- Connaissance en programmation - maîtriser au moins un langage de programmation standard utilisé en bioinformatique (C ++, Java, Python, R)
- Connaissances en biologie computationnelle et modélisation
- Connaissance de l'environnement Unix (des connaissances en administration de bases sont un plus)
- Expérience de travail avec des données massives sur un cluster HPC.

### Savoir-faire

- Coordonner des projets scientifiques et en assurer l'expertise technologique
- Savoir modifier ou créer du code pour adapter un programme, l'étendre ou le développer ex-nihilo
- Garantir la qualité et la pertinence des outils d'analyse et les résultats
- Langue anglaise : B2 à C1 (cadre européen commun de référence pour les langues).

### Aptitudes

- Autonomie
- Bonne écoute (en particulier des partenaires biologistes)
- Créativité / Inventivité
- Sens critique.

### Spécificité(s) et environnement du poste

- La personne recrutée sera intégrée à la plateforme de bioinformatique "Gilles Thomas", dont les activités sont principalement dédiées à l'analyse de données de séquençage à haut débit (NGS) en oncologie.

### Expérience souhaitée

- Une première expérience dans le domaine serait appréciée.

### Diplôme(s) souhaité(s)

- Master

### Diplôme requis

- Niveau minimum de diplôme 7 (anciennement I).

## Environnement de travail

### Temps de travail

- Temps plein
- Nombre d'heures hebdomadaires : 38h et 30mn
- Congés Annuels et RTT : 32 jours ouvrés et 13 jours de RTT

### Activités télétravaillables

- OUI \*       NON
- \* A discuter avec le responsable hiérarchique

## Rémunération

- Selon la grille indiciaire correspondant au corps de recrutement, une reprise d'ancienneté selon le niveau d'expérience et un régime indemnitaire (RIFSEEP) correspondant à la fonction occupée.
- **Rémunération indicative brute moyenne mensuelle inclus IFSE\*** (sur la base d'un indice moyen de rémunération) : **3 270 €**
- \* *Indemnité de Fonctions, de Sujétions et d'Expertise*

## Pour en savoir +

- Sur l'Inserm : <https://www.inserm.fr/> ; site RH : <https://rh.inserm.fr/Pages/default.aspx>
- Sur la politique handicap de l'Inserm et sur la mise en place d'aménagements de poste de travail, contactez la Mission Handicap : [emploi.handicap@inserm.fr](mailto:emploi.handicap@inserm.fr)