



CANDIDATURE

ALLEMAND Eric - Titulaire

BOURGEOIS CYRIL - Suppléant(e)

CSS1 - Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège B1 - Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Élection aux commissions scientifiques spécialisées (CSS)

Choix de la CSS	CSS1
Intitulé de la CSS	Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège

Choix du collège	B1
Description du collège	Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Candidat.e - Informations

Civilité	Monsieur
Nom usuel	ALLEMAND
Prénom	Eric
Grade	CRCN
Appartenance / Organisme employeur	INSERM
Affectation / Numéro de la structure	U1163
Affectation / Intitulé de la structure	Institut IMAGINE
Nom du directeur de l'unité	LYONNET
Prénom du directeur de l'unité	STANISLAS
Vague d'évaluation [Structure d'accueil]	D
Statut	Titulaire
Nom - Candidat.e associé.e	BOURGEOIS
Prénom - Candidat.e associé.e	CYRIL
Vague d'évaluation - Candidat.e associé.e	A

Cursus - Expérience professionnelle - Publications sur l'ensemble de la carrière - Valorisation

Diplômes et expériences professionnelles principales

- . **2001 - Doctorat** - Biochimie et Biologie Moléculaire - Universités / Montpellier 2 - Institut de Génétique Moléculaire de Montpellier (IGMM), France
- . **2001/2006 - Postdoctorat** - Cold Spring Harbor Laboratory (CSHL) - New York, USA
- . **2006/2008 - CDD jeune chercheur INSERM** - Institut Pasteur, Paris, France
- . **2009/2015 - CR1 INSERM** - Institut Pasteur, Paris, France
- . **2015 - HDR** - Recherches sciences de la vie et de la santé - Université Pierre et Marie Curie - Paris VI, Paris, France
- . **2015/2020 - CRCN INSERM - HDR** - Institut Pasteur, Paris, France
- . **2020/2021 - CRCN INSERM - HDR** - Institut IMAGINE U1163, Paris, France

Domaines disciplinaires et méthodologiques

- Mes domaines d'expertise touchent l'expression génique:

- . Epissage alternatif des ARNs
- . Régulation de la transcription
- . Régulation de la chromatine
- . Export nucléo-cytoplasmique

- Depuis ma thèse, j'ai développé ces thématiques d'études en utilisant plusieurs modèles: Levure, Drosophile, Souris, Homme. Mes travaux ont questionné la maturation de l'ARN dans le développement, le cancer, la transmission synaptique, et plus récemment dans les leucémies aiguës lymphoblastiques à précurseurs T.

- Mes compétences méthodologiques sont la biochimie des protéines (HPLC, spectrométrie de masse, modifications post-traductionnelles), la biologie moléculaire (RT-PCR, extinction génique, expression transgénique), la biologie cellulaire, le séquençage à haut débit dont le séquençage de troisième génération (Oxford nanopore et PacBio), l'étude de la chromatine (CHIP, RIP), microscopie.

Institut thématique	Bases moléculaires et structurales du vivant
Mots-clés	ARN, épissage alternatif, chromatine, épigénétique, transcription, cancer, leucémies

Réalisations principales - 5 maximum

- . **Indice H: 20, publications dans des journaux à comité de lecture depuis 1998: 23**
- . **E. Allemand et al.**, Analysis of splicing regulation by Third-Generation Sequencing, *Methods Mol Biol* (2021)
- . **E. Allemand et al.**, A Broad Set of Chromatin Factors Influences Splicing, *PLoS Genet.* (2016)
- . **E. Allemand et al.**, Splicing, transcription, and chromatin: a ménage à trois, *Curr Opin Genet Dev* (2008)
- . **E. Allemand et al.**, Alternative splicing regulation by interaction of phosphatase PP2C γ with nucleic acid-binding protein YB-1, *Nat Struct Mol Biol.* (2007)
- . **E. Allemand et al.**, Regulation of heterogeneous nuclear ribonucleoprotein A1 transport by phosphorylation in cells stressed by osmotic shock, *PNAS* (2005)

Profession de foi

Profession de foi

Synopsis:

J'ai commencé ma carrière scientifique en étudiant comment la régulation de l'expression des gènes est impactée par l'épissage alternatif des ARNs, 20 ans plus tard cette question scientifique est toujours d'actualité car plus de 40% des maladies génétiques et de nombreux cancers ont pour origine la dérégulation de ce mécanisme. Mes projets m'ont aussi amené à étudier la chromatine, la transcription et l'export nucléaire, c'est-à-dire d'autres machineries cellulaires qui peuvent influencer la régulation de l'épissage. Au cours des années, j'ai suivi l'évolution des méthodologies en particulier l'arrivée du haut débit et la constante évolution des outils génétiques. Depuis cinq ans, j'utilise en routine le séquençage à haut débit de troisième génération qui s'impose de plus en plus comme incontournable pour évaluer au mieux l'expression génique, et en particulier sa diversité. Si au cours de mon doctorat, j'ai travaillé sur la Drosophile, actuellement je travaille essentiellement avec des échantillons de patients atteints de cancer. J'ai pour objectif d'identifier de nouveaux marqueurs génétiques issus d'une dérégulation de l'épissage afin d'améliorer le dépistage des leucémies aiguës lymphoblastiques T. Mon parcours scientifique m'a amené à avoir une expérience internationale et diversifiée du métier de chercheur qui devrait me permettre de comprendre au mieux les travaux de mes collègues de la CSS1, mais aussi de ressentir leurs difficultés et enfin d'accueillir les futurs nouveaux entrants.

Expérience et engagement:

J'ai été recruté à l'INSERM en 2008 après être rentré des Etats-Unis grâce à un CDD jeune chercheur 3-5 ans de l'INSERM. Depuis ma titularisation, j'ai encadré de nombreux étudiants, passé mon HDR en 2015, obtenu plusieurs financements et fait partie de nombreux jury de thèse, HDR et comité de thèse. Par conséquent, je connais bien la vie d'un chargé de recherche CRCN de l'INSERM et aussi le fonctionnement de nos institutions. Je considère que siéger à une commission scientifique est une étape logique et nécessaire de ma carrière scientifique. Pour moi cette fonction constitue un intérêt partagé : pour l'INSERM qui peut ainsi bénéficier de mon expertise scientifique dans un domaine spécialisé, et pour moi afin d'avoir une idée plus générale de l'institut pour lequel je travaille. De plus, le recrutement des chercheurs et le suivi de leur carrière par l'INSERM me semble être un point absolument crucial auquel je voudrais prendre part. Je suis pour une recherche d'excellence, dont la passion est l'essence de la motivation. Il faut donc recruter des jeunes chercheurs qui souhaitent développer leurs projets et qui le plus souvent ont eu une expérience internationale. Le développement de projets scientifiques dans le cadre de la recherche académique en France est une activité très sélective, il est de plus en plus difficile d'obtenir des financements, de plus en plus nécessaire de publier dans des journaux à haut facteur d'impact, il faut donc être préparé à cette situation.

Mon profil d'expertise correspond parfaitement à celui de la CSS1 dont le thème est "Biologie cellulaire, moléculaire et structurale", par conséquent je propose ma candidature en tant que membre du collège B1.

Synergie du binôme (Eric Allemand et Cyril Bourgeois):

Les candidatures de ce binôme sont en synergies, en effet nous avons des parcours scientifiques très proches et nous nous connaissons depuis plusieurs années au travers de nos interactions dans la communauté de l'ARN. Notre candidature est donc celle d'un binôme où le titulaire et le suppléant sont parfaitement interchangeables et dont les évaluations seront similaires.



CANDIDATURE

BOURGEOIS Cyril - Suppléant(e)

ALLEMAND Eric - Titulaire

CSS1 - Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège B1 - Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Élection aux commissions scientifiques spécialisées (CSS)

Choix de la CSS	CSS1
Intitulé de la CSS	Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège

Choix du collège	B1
Description du collège	Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Candidat.e - Informations

Civilité	Monsieur
Nom usuel	BOURGEOIS
Prénom	Cyril
Grade	CRCN
Appartenance / Organisme employeur	Inserm
Affectation / Numéro de la structure	U1293
Affectation / Intitulé de la structure	Laboratoire de Biologie et Modélisation de la Cellule
Nom du directeur de l'unité	AUBOEUF
Prénom du directeur de l'unité	Didier
Vague d'évaluation [Structure d'accueil]	A
Statut	Suppléant(e)
Nom - Candidat.e associé.e	ALLEMAND
Prénom - Candidat.e associé.e	Eric
Vague d'évaluation - Candidat.e associé.e	D

Cursus - Expérience professionnelle - Publications sur l'ensemble de la carrière - Valorisation

Diplômes et expériences professionnelles principales

1995-1999: Doctorat en Biologie Moléculaire et Cellulaire, Université Strasbourg 1, Institut de Génétique et Biologie Moléculaire et Cellulaire, Illkirch (France)
2000-2003: Post-doctorat, MRC Laboratory of Molecular Biology, Cambridge (UK) puis Case Western Reserve University, Cleveland (USA)
2003-2008: CR INSERM, Institut de Génétique et Biologie Moléculaire et Cellulaire, Illkirch (France)
2006 : Promotion au grade de CR1
2009-2011: Mise à disposition, IBPM-CNR, Université de Rome "Sapienza", Rome (Italie)
2010 : HDR, Université de Strasbourg
2011-2015: CR1 INSERM, Centre de Recherche en Cancérologie de Lyon, Lyon (France)
2015-2021: CR1 INSERM, Laboratoire de Biologie et Modélisation de la Cellule, Ecole Normale Supérieure de Lyon, Lyon (France)

Domaines disciplinaires et méthodologiques

Mes domaines d'expertises couvrent différents aspects de la régulation moléculaire de l'expression des gènes et des ARN :
- Mécanismes moléculaires de la maturation des ARN (épissage alternatif, polyadénylation)
- Organisation de la chromatine et régulation transcriptionnelle
- Biogenèse et fonction des microRNAs
- Analyses transcriptomiques

Institut thématique	Bases moléculaires et structurales du vivant
Mots-clés	ARN, épissage alternatif, transcription, chromatine, microARN

Réalisations principales - 5 maximum

Nombre total de publications dans des revues à comité de lecture: 34 (dont 27 depuis mon recrutement à l'INSERM), H-Index: 21

Ces 5 publications éclairent les aspects les plus significatifs de ma carrière depuis mon recrutement :

- Dreumont N, Hardy S, Behm-Ansmant I, Kister L, Branlant C, Stévenin J, **Bourgeois CF**. Antagonistic factors control the unproductive splicing of SC35 terminal intron. **Nucleic Acid Res.** (2010)
- Dardenne E, (...), **Bourgeois CF***, Auboeuf D*. RNA helicases DDX5 and DDX17 dynamically orchestrate transcription, miRNA, and splicing programs in cell differentiation **Cell Rep.** (2014). (* corresponding authors)
- Bourgeois CF**, Mortreux F, Auboeuf D. The multiple functions of RNA helicases as drivers and switchers of the genetic information flow. **Nat. Rev. Mol. Cell. Biol.** (2016)
- Lambert MP, (...), **Bourgeois CF**. The RNA helicase DDX17 controls the transcriptional activity of REST and the expression of proneural microRNAs in neuronal differentiation. **Nucleic Acids Res.** (2018)
- Giraud G, Terrone S., **Bourgeois CF** Functions of DEAD box RNA helicases DDX5 and DDX17 in chromatin organization and transcriptional regulation. **BMB Rep.** (2018)

Profession de foi

J'ai 48 ans et je suis chargé de recherche à l'INSERM depuis 2003, actuellement en poste au Laboratoire de Biologie et Modélisation de la Cellule de l'Ecole Normale Supérieure de Lyon. J'ai consacré toute ma carrière scientifique à l'étude des mécanismes moléculaires de régulation de l'expression des gènes humains, avec comme fil rouge la régulation de l'épissage alternatif. Du début de ma thèse à aujourd'hui, mon champ d'expertises a progressivement évolué, suivant les avancées méthodologiques majeures de ces 3 dernières décennies, ce qui m'a permis de me maintenir à un haut niveau scientifique. L'éventail de mes compétences dans le domaine de la transcription et de la maturation des ARNs inclut des approches purement biochimiques ou *in cellulo*, permettant la compréhension fine des mécanismes moléculaires en jeu, jusqu'aux analyses *in silico* exploitant des données de séquençage de nouvelle génération, qui offrent une vision plus intégrée de ces phénomènes. J'ai ainsi participé au développement d'outils bio-informatiques visant à identifier les variations globales d'épissage et à en prédire les conséquences fonctionnelles. Mes recherches sont de nature très fondamentale mais ont souvent été menées dans le contexte de diverses situations pathologiques (maladies génétiques, infections virales ou cancer). Mes travaux ont contribué à l'émergence d'approches diagnostiques et thérapeutiques visant à corriger ou à altérer l'épissage de transcrits spécifiques chez certains patients, ouvrant des perspectives nouvelles pour la médecine plus personnalisée de demain. Je dirige actuellement un groupe de 4 personnes qui s'intéresse aux diverses fonctions de deux hélicases à ARN dans l'expression des gènes. Nos recherches nous ont amené à considérer la maturation des ARNs dans le contexte plus global du contrôle de la dynamique transcriptionnelle et du repliement spatial de la chromatine et des gènes.

J'ai encadré de nombreux étudiants, post-doctorants ou personnels techniques de laboratoire, conduit et financé mes recherches de façon indépendante, et je connais et comprends bien le fonctionnement de nos institutions. J'ai une activité large et régulière en matière d'évaluation scientifique, que ce soit comme rapporteur d'articles ou de projets nationaux et internationaux, ou au travers de ma participation fréquente à des jurys et comités de thèse.

Fort de mon indépendance et de mon intégrité scientifique, d'une riche expérience internationale (en Angleterre, aux USA et en Italie), et de mes connaissances du métier de chercheur à l'INSERM, j'ai décidé de proposer ma candidature à la CSS1 en tant que membre du collège B1. Par cette candidature, que je vois comme une étape logique dans ma carrière, je souhaite mettre mes compétences au service de l'INSERM et m'investir à plein dans les différentes missions confiées à cette commission. Mon profil scientifique et la diversité de mes compétences s'inscrivent parfaitement dans le périmètre de la CSS1 "Biologie cellulaire, moléculaire et structurale". En siégeant dans cette commission, je saurai évaluer et apprécier au mieux les travaux de mes collègues et accompagner le recrutement de scientifiques talentueux et passionnés par notre métier.

Synergie du binôme (Eric Allemand et Cyril Bourgeois):

Les candidatures de ce binôme sont en synergie, en effet nous avons des parcours scientifiques très proches et nous nous connaissons depuis plusieurs années au travers de nos interactions dans la communauté de l'ARN. Notre candidature est donc celle d'un binôme où le titulaire et le suppléant sont parfaitement interchangeables et dont les évaluations seront similaires.



CANDIDATURE

CLOUAIRE Thomas - Titulaire

SMAGULOVA FATIMA - Suppléant(e)

CSS1 - Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège B1 - Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Élection aux commissions scientifiques spécialisées (CSS)

Choix de la CSS	CSS1
Intitulé de la CSS	Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège

Choix du collège	B1
Description du collège	Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Candidat.e - Informations

Civilité	Monsieur
Nom usuel	CLOUAIRE
Prénom	Thomas
Grade	CRCN
Appartenance / Organisme employeur	INSERM
Affectation / Numéro de la structure	UMR5077
Affectation / Intitulé de la structure	Unité de Biologie Moléculaire, Cellulaire et du Développement (MCD); Centre de Biologie Intégrative; Toulouse
Nom du directeur de l'unité	KERSTIN
Prénom du directeur de l'unité	BYSTRICKY
Vague d'évaluation [Structure d'accueil]	A
Statut	Titulaire
Nom - Candidat.e associé.e	SMAGULOVA
Prénom - Candidat.e associé.e	FATIMA
Vague d'évaluation - Candidat.e associé.e	B

Cursus - Expérience professionnelle - Publications sur l'ensemble de la carrière - Valorisation

Diplômes et expériences professionnelles principales

PARCOURS UNIVERSITAIRE:

2019 : **Habilitation à diriger des recherches**, Université Paul Sabatier, Toulouse III. Soutenue le 18/06/2019
2001-2005: **Doctorat en Biologie Moléculaire**, Université Paul Sabatier, Toulouse III. Soutenue le 19/07/2005
2000-2001: **DEA Structures Moléculaires et Processus du Vivant**, Université Paul Sabatier, Toulouse III.
1996-2000: **Maîtrise de Biochimie** Université des Sciences et Techniques, Nantes. Mention Bien

PARCOURS PROFESSIONNEL:

Depuis 2015 : **CRCN INSERM (CSS1)**, équipe **Gaëlle Legube** (MCD/CBI, Toulouse).

"*Etude de la dynamique de la chromatine et de la réparation des cassures double-brin de l'ADN par des approches omics*".

2013-2015 : **Post doctorant**, équipe **Gaëlle Legube** (LBCMCP, Toulouse). Bourse Postdoctorat FRM puis ARC.

"Cartographie systématique du paysage chromatinien établi en réponse aux cassures double-brin de l'ADN".

2009- 2013: **Post doctorant**, équipe **Pr A. Bird** (WTCCB, Edinburgh).

"Cellules souches, chromatine et transcription".

2006- 2009: **Post doctorant**, équipe **I. Stancheva** (WTCCB, Edinburgh). EMBO Long-Term Fellowship

"Méthylation de l'ADN et répression transcriptionnelle"

2001-2005: **Doctorat : Equipe J.P Girard** (IPBS, Toulouse, Bourse CIFRE avec la société Endocube).

"Caractérisation biochimique du domaine THAP, un nouveau domaine de liaison à l'ADN dépendant du zinc".

Domaines disciplinaires et méthodologiques

Mon expertise scientifique se situe les domaines de la régulation de l'expression des gènes, la structure de la chromatine et l'organisation 3D du noyau, la réparation, recombinaison et réplication du génome ainsi que la biologie des systèmes.

Au cours de mon parcours scientifique, j'ai notamment pu établir une expertise solide dans le domaine de la génomique fonctionnelle. Mon activité principale consiste à étudier les mécanismes qui gouvernent la stabilité du génome et notamment la réparation des dommages qui apparaissent fréquemment au sein des gènes en cours de transcription. Pour cela, je déploie un large éventail d'analyses à l'échelle du génome entier par séquençage à haut débit. Mon travail couvre principalement les aspects expérimentaux mais aussi l'analyse bioinformatique des données générées.

Institut thématique	Génétique, génomique et bioinformatique
Mots-clés	Chromatine, Epigénétique, Organisation 3D du noyau, Réparation de l'ADN, Regulation de l'expression des gènes, Séquençage à haut débit, Bioinformatique

Réalizations principales - 5 maximum

- . Arnould C, Rocher V, Finoux AL, Clouaire T, Li K, Zhou F, Caron P, Mangeot PE, Ricci EP, Mourad R, Haber JE, Noordermeer D, Legube G. Loop extrusion as a mechanism for formation of DNA damage repair foci. *Nature*. 2021.
- . Clouaire T, Legube G. A Snapshot on the Cis Chromatin Response to DNA Double-Strand Breaks. *Trends Genet*. 2019. Review.
- . Clouaire T*, Rocher V, Lashgari A, Arnould C, Aguirrebengoa M, Biernacka A, Skrzypczak M, Aymard F, Fongang B, Dojer N, Iacovoni JS, Rowicka M, Ginalski K, Côté J, Legube G*. Comprehensive Mapping of Histone Modifications at DNA Double-Strand Breaks Deciphers Repair Pathway Chromatin Signatures. *Mol Cell*. 2018. *Co-corresponding author
- . Clouaire T, Webb S, Bird A. Cfp1 is required for gene expression-dependent H3K4 trimethylation and H3K9 acetylation in embryonic stem cells.. *Genome Biol*. 2014
- . Clouaire T, Webb S, Skene P, Illingworth R, Kerr A, Andrews R, Lee JH, Skalnik D, Bird A. Cfp1 integrates both CpG content and gene activity for accurate H3K4me3 deposition in embryonic stem cells. *Genes Dev*. 2012

Profession de foi

PROFESSION DE FOI

Thomas Clouaire

44 ans. CRCN CSS1, collègue B1

Centre de Biologie Intégrative, Toulouse.

Cher-e-s collègues

Vous trouverez ici ma candidature à la Commission Scientifique Spécialisée 1 "Biologie cellulaire, moléculaire et structurale" pour la mandature 2022-2026.

Au cours de ma thèse (2001-2005), effectuée à l'Institut de Pharmacologie et de Biologie Structurale de Toulouse sous la direction de Jean-Philippe Girard, j'ai réalisé la caractérisation biochimique d'un nouveau domaine de liaison à l'ADN identifié au laboratoire qui définit une nouvelle famille de facteurs de transcription. J'ai ensuite choisi de me spécialiser dans l'étude de la régulation de l'expression des gènes par les mécanismes épigénétiques. Pour cela, j'ai rejoint le Wellcome Trust Centre for Cell Biology de l'université d'Edimbourg pour deux stages postdoctoraux; le premier sur la méthylation de l'ADN dans l'équipe d'Irina Stancheva (2006-2009) et le second, dans l'équipe d'Adrian Bird (2009-2013), pour étudier la relation entre la structure de la chromatine et régulation de l'expression de gènes chez les mammifères. En 2013, j'ai rejoint l'équipe "Chromatine et Réparation de l'ADN" dirigée par Gaëlle Legube au Centre de Biologie Intégrative de Toulouse pour étudier le rôle de la dynamique de la chromatine dans la réparation des cassures double-brins de l'ADN. J'ai été recruté à l'INSERM en 2015 au grade de CR1 pour exercer mon activité de recherche au sein de cette équipe. J'ai également obtenu mon HDR en 2018 à l'université de Toulouse.

Au cours de mon parcours scientifique, j'ai pu établir une expertise solide dans le domaine de la génomique fonctionnelle. Mon activité principale consiste à étudier les mécanismes qui gouvernent la stabilité du génome et notamment la réparation des dommages qui apparaissent fréquemment au sein des gènes en cours de transcription. Pour cela, je déploie un large éventail d'analyses à l'échelle du génome entier par séquençage à haut débit. Mon travail couvre principalement les aspects expérimentaux mais aussi l'analyse bioinformatique des données générées. A ce titre, je suis membre du comité de pilotage de la plateforme d'analyse de données de séquençage à haut débit du Centre de Biologie Intégrative et j'anime également un cours de Master2 pour l'université de Toulouse concernant l'analyse de l'épigénome à haute résolution. Par cette candidature à la CSS1, je souhaite contribuer activement à la vie scientifique de l'INSERM en tant qu'expert scientifique dans les domaines de la régulation de l'expression des gènes, la structure de la chromatine et l'organisation 3D du noyau, la réparation, recombinaison et réplication du génome ainsi que la biologie des systèmes.

Depuis mon recrutement, je me suis continuellement investi dans de nombreuses missions collectives. Je suis représentant des chercheurs et enseignants-chercheurs de mon unité et de la Fédération de Recherche CBI depuis 2015. J'ai également pu évaluer de nombreux projets de recherche (Ligue Régionale contre le cancer, Université de Strasbourg, Polish National Science Centre) et je participe régulièrement au processus d'évaluation pour le recrutement de nouveaux chefs d'équipes au CBI. J'ai également fait partie du comité de sélection pour un poste d'enseignant-chercheur pour l'université Paris Sorbonne.

Si je suis élu, je m'engage à :

-Réaliser une évaluation rigoureuse et équitable qui prenne en compte la globalité des différentes missions des personnels de recherche.

-Prendre en compte à la fois les spécificités thématiques mais également les particularités liées aux différents contextes scientifiques, géographiques ou structurels au cours de mon travail d'évaluation.

-Contribuer à mieux faire reconnaître la nature collective de la recherche actuelle en biologie et santé, notamment en valorisant le rôle des chercheurs non chefs d'équipes porteurs de projets.

- Participer à maintenir et développer la place d'une recherche fondamentale d'excellence au sein de l'INSERM, qui constitue à mes yeux un des piliers de l'Institut.

- Mettre en valeur le rôle joué par les jeunes chercheurs et des différents personnels de soutien à la recherche, qu'ils/elles soient titulaires ou non, notamment lors de l'évaluation des structures de recherche.

Cette nouvelle mandature de la CSS1 va s'opérer de manière concomitante à la mise en place d'une nouvelle loi de programmation pluriannuelle de la recherche (LPR), qui va conduire à des bouleversements importants de notre système de recherche et des carrières des personnels. Ce contexte particulier appelle une grande vigilance et une grande rigueur de la part des commissionnaires de la CSS1.

En espérant que le plus grand nombre d'entre vous puissent se reconnaître dans ma candidature, je vous prie cher(e)s collègues de recevoir mes plus chaleureuses salutations



CANDIDATURE

SMAGULOVA Fatima - Suppléant(e)

CLOUAIRE Thomas - Titulaire

CSS1 - Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège B1 - Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Élection aux commissions scientifiques spécialisées (CSS)

Choix de la CSS	CSS1
Intitulé de la CSS	Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège

Choix du collège	B1
Description du collège	Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Candidat.e - Informations

Civilité	Madame
Nom usuel	SMAGULOVA
Prénom	Fatima
Grade	CRCN
Appartenance / Organisme employeur	INSERM
Affectation / Numéro de la structure	U1085
Affectation / Intitulé de la structure	IRSET
Nom du directeur de l'unité	SAMSON
Prénom du directeur de l'unité	Michel
Vague d'évaluation [Structure d'accueil]	B
Statut	Suppléant(e)
Nom - Candidat.e associé.e	CLOUAIRE
Prénom - Candidat.e associé.e	Thomas
Vague d'évaluation - Candidat.e associé.e	A

Cursus - Expérience professionnelle - Publications sur l'ensemble de la carrière - Valorisation

Diplômes et expériences professionnelles principales

Education:

2015, HDR, University Rennes 1

2000, PhD in Biology, Institute of Bioorganic Chemistry, Russian Academy of Sciences, Novosibirsk, Russia

1992, Master Science, Novosibirsk State University, Russia

Professional experience

2014-present, tenured research scientist at Inserm (CR1), leader of "Meiosis, epigenetics and recombination" group, IRSET

2012-2014, professor at European University of Brittany (Chaire D'Excellence)

2008-2012, postdoc, Uniformed Services University, Department of Biochemistry Bethesda, USA

2006-2007, postdoc, Dartmouth Medical School, Department of Genetics, Hanover, USA

2002-2006, postdoc, Biology Institute -UMR 5121 CNRS, Montpellier, France

Domaines disciplinaires et méthodologiques

My scientific expertise focusses on the areas of regulation of gene expression in physiological and pathophysiological conditions, epigenetic mechanisms regulating germ and somatic cell development. During my scientific career, I was able to establish a strong expertise in the field of epigenetics, developmental biology, and genetics. My main activities are to organize and perform research, to define long term objectives and strategy for research. To reach our goals, I am using a classical molecular biological technique together with whole genome-wide high throughput sequencing and bioinformatic approaches

Institut thématique	Génétique, génomique et bioinformatique
Mots-clés	Epigenetics, gametogenesis, homologous recombination, toxicology

Réalisations principales - 5 maximum

1. Legoff L, Dali O, De La Mata Santaella E, Jaulin C, D'Cruz SC, Smagulova F. Histone deacetylase inhibition leads to regulatory histone mark alterations and impairs meiosis in oocytes. *Epigenetics Chromatin*. 2021 Aug 12;14(1):39.
2. Legoff L, D'Cruz SC, Lebosq M, Gely-Pernot A, Bouchehchoukha K, Monfort C, Kernanec P-Y, Tevosian S, Multigner L and Smagulova F. Developmental exposure to chlordecone induces transgenerational effects in somatic prostate tissue which are associated with epigenetic histone trimethylation changes", *Environ Int*. 2021 Jul;152:106472.
3. Legoff L, D'Cruz SC, Bouchehchoukha K, Monfort C, Jaulin C, Multigner L, Smagulova F. In utero exposure to chlordecone affects histone modifications and activates LINE-1 in cord blood. *Life Sci Alliance*. 2021 Apr 9;4(6):e202000944
4. Brick K*, Thibault-Sennett S*, Smagulova F, Lam KG, Pu Y, Pratto F, Camerini-Otero RD, Petukhova GV. Extensive sex differences at the initiation of genetic recombination. *Nature*. 2018 Sep;561(7723):338-342.
5. Hao C, Gely-Pernot A, Kervarrec C, Boudjema M, Becker E, Khil P, Tevosian S, Jégou B, Smagulova F. Exposure to the widely used herbicide atrazine results in deregulation of global tissue-specific RNA transcription in the third generation and is associated with a global decrease of histone trimethylation in mice. *Nucleic Acids Res*. 2016 Nov 16;44(20):9784-9802

Profession de foi

During my PhD study, I analyzed the genetic mechanisms underlying human genetic disease, phenylketonuria. I did a post-doctoral training in France in CNRS team directed by Dr. Mougel. Our study revealed the mechanisms of unspliced retroviral RNA transport; this knowledge was essential for developing antiviral therapies. To gain experience in mice biology, I did a postdoc stage in Dartmouth Medical School, USA. We discovered the potential roles of GATA/FOG transcriptional factors in a heart and gonad as well as in breast development. To gain insight in field of homologous recombination and meiosis, I performed a postdoc stage in Dr. Petukhova's lab, Uniformed Service University, USA, work was in collaboration with Dr. Camerini-Otero's lab, NIH, NIDDK, the world leading team in the field of meiosis. Our collaborative study brought a new fundamental knowledge of the genetic features of meiotic homologous recombination in mammalian species. All my postdoctoral experience gave me strong confidence in the field of Genetics, Genomics, Molecular and Developmental Biology. Thus, I continue my carrier step as independent scientist as a Chaired'Excellence at University of Brittany. I initiated a new study devoted to understanding of the role of epigenetic mechanisms in gametogenesis influenced by environmental factors. I was recruited as INSERM researcher and obtained Avenir grant from INSERM in 2014. Since 2014, I am a group leader in IRSET/U1085 team "Meiosis, epigenetics, reproduction". From 2022, I will lead a new team "Chromatin, Epigenetics, Environment" within IRSET, which will combine three researchers, postdoc, and PhD student. As the PI of one of the research team of IRSET, I am coordinator of the projects devoted to understanding the impacts of environmental factors on epigenetic mechanisms. Our team is a part of European consortium HBM4EU, where we contribute to collaborative study in field of epigenetics. Our mission is to analyze epigenetic alterations at important genes during developmental stages. In next years, our team is considered to be one of contributor to European project PARC, which will be continuation of HBM4EU. The work of my team in a field of transgenerational inheritance received international recognition. We had accomplished several studies that helped to reveal the role of pluripotency related factor to mediating transgenerational effects. Our projects were funded by National Agencies such ANSES, and PNRPE. During my work I supervised three postdocs, three PhD students, 4 Erasmus Exchange students, 4 Master 2 students.

Through this application to CSS1, I wish to actively contribute to the scientific life of INSERM as an expert scientist in the fields of epigenetics, developmental biology and genetics. During my work at INSERM, I have continuously participated in many collective missions. I was organizer of scientific seminars in IRSET since 2017. I evaluated several European research grants and PhD fellowship program, as well as I reviewed large numbers of scientific manuscripts.

If I will be elected, I will perform fair assessment of scientific research that consider the difficulties of the projects, its originalities and actuality. I will use all my experience to create better research at ISERM



CANDIDATURE

ETCHEVERS Heather - Titulaire

JUNION Guillaume - Suppléant(e)

CSS1 - Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège B1 - Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Élection aux commissions scientifiques spécialisées (CSS)

Choix de la CSS	CSS1
Intitulé de la CSS	Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège

Choix du collège	B1
Description du collège	Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Candidat.e - Informations

Civilité	Madame
Nom usuel	ETCHEVERS
Prénom	Heather
Grade	CRCN
Appartenance / Organisme employeur	INSERM
Affectation / Numéro de la structure	U1251
Affectation / Intitulé de la structure	Marseille Medical Genetics
Nom du directeur de l'unité	LEVY
Prénom du directeur de l'unité	Nicolas
Vague d'évaluation [Structure d'accueil]	C
Statut	Titulaire
Nom - Candidat.e associé.e	JUNION
Prénom - Candidat.e associé.e	Guillaume
Vague d'évaluation - Candidat.e associé.e	A

Cursus - Expérience professionnelle - Publications sur l'ensemble de la carrière - Valorisation**Diplômes et expériences professionnelles principales****EDUCATION**

Wellesley College, USA ; Bachelor of Arts 06/1992 (Biology, music)
 University of California, Berkeley, USA ; Ph.D. 17/12/1998 en co-tutelle avec l'Université Pierre et Marie Curie (Sorbonne Université), Paris ; Doctorat 10/06/1999
 Université Aix-Marseille, Marseille ; Habilitation à Diriger les Recherches 10/02/2012

EXPERIENCES PROFESSIONNELLES

1999-2001 - Post-doctorant, IECM, CNRS UMR 7128 /Collège de France, Nogent-sur-Marne
 2001-2010 - Post-doctorant, lauréate Avenir (2002-2005) ; CR2 en 2004 ; CR1 en 2008 ; INSERM U393 / U781, Hôpital Necker-Enfants Malades, Paris.
 2006 - 2009 Affectée 80% INSERM U563 (Centre de Physiologie de Toulouse - Purpan) à Toulouse et 20% U781 pour une collaboration sur le développement de malformations génétiques oculaires congénitales

ENCADREMENTS DE FORMATION

9 étudiant.e.s en master
 5 doctorant.e.s
 Multiples comités de mi-parcours pour doctorant.e.s
 7 comités de thèse de sciences (4 en tant que rapportrice, 3 en tant qu'examinatrice) et 4 comités de thèse de médecine
 3 post-doctorant.e.s

Domaines disciplinaires et méthodologiques

- anatomie-pathologie
- biologie cellulaire
- biologie du développement
- biologie moléculaire
- cellules souches
- cultures primaires
- différenciation dirigée
- électroporation *in vivo*
- embryologie expérimentale
- embryologie humaine
- épigénétique
- expérimentation animale
- explantation
- génétique animale
- génétique humaine
- génomique fonctionnelle
- étude du kinome
- malformations congénitales
- microdissection
- microscopie confocale
- oncogénèse
- qRT-PCR
- reprogrammation
- séquençage à haut débit
- single-cell RNAseq
- single-nucleus RNAseq
- traçage de lignée *in vivo*
- transcriptomique spatiale
- Western blot

Institut thématique	Biologie cellulaire, développement et évolution
Mots-clés	crête neurale, cellules souches, génétique, mosaïcisme, embryon humain, lignée, malformation congénitale, maladies rares

Réalisations principales - 5 maximum

1. The cephalic neural crest provides pericytes and smooth muscle cells to all blood vessels of the face and forebrain (2001). **HC Etchevers**, C Vincent, NM Le Douarin, GF Couly. *Development* 128 (7), 1059-1068
2. Matthew-Wood syndrome is caused by truncating mutations in the retinol-binding protein receptor gene STRA6 (2006). C Golzio, J Martinovic-Bouriel, S Thomas, S Mougou-Zrelli, B Grattagliano-Bessieres, M Bonniere, S Delahaye, A Munnich, F Encha-Razavi, S Lyonnet, M Vekemans, T Attié-Bitach, **HC Etchevers**. *The American Journal of Human Genetics* 80 (6), 1179-1187
3. Human neural crest cells display molecular and phenotypic hallmarks of stem cells (2008). S Thomas, M Thomas, P Wincker, C Babarit, P Xu, MC Speer, A Munnich, S Lyonnet, M Vekemans, **HC Etchevers**. *Human Molecular Genetics* 17 (21), 3411-3425
4. Giant congenital melanocytic nevus with vascular malformation and epidermal cysts associated with a somatic activating mutation in BRAF (2018). **HC Etchevers**, C Rose, B Kahle, H Vorbringer, F Fina, P Heux, I Berger, B Schwarz, S Zaffran, N Macagno, S Krengel. *Pigment Cell & Melanoma Research* 31 (3), 437-441
5. Ectopic expression of Hoxb1 induces cardiac and craniofacial malformations (2018). S Zaffran, G Odelin, S Stefanovic, F Lescoart, **HC Etchevers**. *genesis* 56 (6-7), e23221

Titulaire Nom : **ETCHEVERS** Prénom : Heather Collège : B1 Section : CSS1
Suppléant Nom : **JUNION** Prénom : Guillaume Collège : B1 Section : CSS1

Profession de Foi

la Société Française de Biologie Cellulaire (SBCF)
et
la Société Française de Biologie du Développement (SFBD)



Notre candidature est soutenue par la Société Française de Biologie du Développement (SFBD)

La Société de Biologie Cellulaire de France (SBCF) et la Société Française de Biologie du Développement (SFBD), fortes de plus de 2600 adhérents ont comme mission de promouvoir la recherche fondamentale et ses applications en organisant et soutenant des conférences du domaine, en offrant des bourses et des prix aux plus jeunes chercheurs talentueux et en diffusant les offres d'emploi dans notre discipline.

La SBCF et la SFBD soutiennent l'excellence comme critère de recrutement des chercheurs qui développeront des projets de recherche ambitieux et originaux. Les membres des deux sociétés s'impliquent dans le fonctionnement de la recherche par le biais de représentants dans les Commissions Scientifiques Spécialisées (CSSs) de l'Inserm, dans les sections du Comité National de la Recherche Scientifique (CoNRS) du CNRS, et dans l'ITMO Biologie Cellulaire, Développement et Evolution (BCDE).

Si nous sommes élus, nous nous engageons à promouvoir :

- une évaluation scientifique rigoureuse et transparente qui prenne en compte **l'ensemble** des missions dévolues aux personnels de recherche:
 - a) le développement des connaissances
 - b) leur transfert et leur application dans les entreprises, et dans tous les domaines contribuant au progrès de la société
 - c) la diffusion de l'information et de la culture scientifique et technique dans toute la population, et notamment parmi les jeunes
 - d) la participation à la formation initiale et à la formation continue
 - e) l'administration de la recherche
 - f) l'expertise scientifique.
- une prise en compte équilibrée des différents champs de recherche, des plus fondamentaux en biologie aux plus appliqués ou transversaux.
- une évaluation des structures de recherche qui inclut la place faite aux plus jeunes chercheurs, aux équipes émergentes et la promotion du rôle et des missions des ITA.
- le rôle essentiel des CSSs de l'Inserm, des sections du CoNRS à la fois dans l'évaluation et dans la prospective. Nous participerons à leur nécessaire évolution, afin de renforcer leur efficacité dans la tâche d'évaluation des personnels et des structures.
- une meilleure et constante **concertation** entre les différents opérateurs de recherche.

Nous nous engageons également à **rendre compte** des évolutions sur ces divers points, et à ce que les conclusions des différentes sessions des commissions soient communiquées dans la plus grande transparence et dans le respect de la confidentialité des débats, au travers de la SBCF et la SFBD ainsi que directement auprès de tous les chercheurs et ITA inscrits dans les sections dans lesquels des représentants se réclamant de la SBCF et la SFBD seront élus.

Les progrès futurs de la recherche et de l'innovation ne peuvent s'affranchir d'un soutien sans faille à la recherche fondamentale, dans toute sa diversité d'acteurs comme de sujets de recherche, avec comme seul critère de jugement celui de la qualité scientifique.



CANDIDATURE

JUNION Guillaume - Suppléant(e)

ETCHEVERS Heather - Titulaire

CSS1 - Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège B1 - Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Élection aux commissions scientifiques spécialisées (CSS)

Choix de la CSS	CSS1
Intitulé de la CSS	Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège

Choix du collège	B1
Description du collège	Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Candidat.e - Informations

Civilité	Monsieur
Nom usuel	JUNION
Prénom	Guillaume
Grade	CRCN
Appartenance / Organisme employeur	INSERM DR Auvergne Rhône Alpes
Affectation / Numéro de la structure	
Affectation / Intitulé de la structure	Inserm 1103
Nom du directeur de l'unité	
Prénom du directeur de l'unité	
Vague d'évaluation [Structure d'accueil]	A
Statut	Suppléant(e)
Nom - Candidat.e associé.e	ETCHEVERS
Prénom - Candidat.e associé.e	heather
Vague d'évaluation - Candidat.e associé.e	C

Cursus - Expérience professionnelle - Publications sur l'ensemble de la carrière - Valorisation

Diplômes et expériences professionnelles principales

2007-2012 Post-doctorat à l'EMBL-Heidelberg dans l'équipe du Dr EE. FURLONG :
Projet de recherche principal: Etude de la spécification du mésoderme cardiaque

2003-2006 Doctorat à l'UMR 384 de Clermont-Ferrand au sein de l'équipe du Dr K. JAGLA :
Analyse fonctionnelle des protéines Ladybird par des approches transcriptomiques.

2002-2003 1ère année de thèse à l'IGBMC-Illkirch au sein de l'équipe du Dr B. THISSE :
Analyse des fonctions précoces des protéines ZLbx chez le Poisson Zèbre

2002 Stage de DEA à l'UMR 384 de Clermont-Ferrand au sein de l'équipe du Dr K. JAGLA :
Identification des gènes cibles des facteurs de transcription Ladybird impliqués dans les processus de différenciation du mésoderme chez l'embryon de Drosophile.

2001 Stage de maîtrise au Centre de Recherche en Endocrinologie Moléculaire et Oncologie du CHU Laval, QUEBEC dans l'équipe du Dr V. LUU-THE :

Domaines disciplinaires et méthodologiques

Mes domaines disciplinaires concernent la biologie du développement. Je m'intéresse à la spécification et la diversification des cellules musculaires et cardiaques au cours du développement embryonnaire de la Drosophile. Pour cela je développe des projets qui s'appuient sur des méthodes d'analyse cellulaires spécifiques (INTACT, TRAP, FANS, CLIP, Single cell..) permettant de d'étudier les différents niveaux de régulation de l'expression des gènes. Une autre partie de mes recherches concerne l'étude des mécanismes de régulation liés à l'épitranscriptome dans le contexte du développement.

Institut thématique	Biologie cellulaire, développement et évolution
Mots-clés	Développement, myogenèse, cardiogenèse, génomique, processing de l'ARN, transcription, traduction, épissage alternatif

Réalisations principales - 5 maximum

Akhtar J, Renaud Y, Albrecht S, Ghavi-Helm Y, Roignant JY, Silies M, **Junion G. 2021.** m6A RNA methylation regulates promoter proximal pausing of RNA Polymerase II. *Molecular Cell.*
Dondi C, Bertin B, Da Ponte JP, Wojtowicz I, Jagla K and **Junion G. 2021.** A polarized nucleus-cytoskeleton-ECM connection controls collective migration and cardioblasts number in *Drosophila*. *Development.*
Junion G, Spivakov M, Girardot C, Braun M, Gustafson H, Birney E, Furlong EE. **2012.** A transcription factor collective defines cardiac cell fate and reflects the developmental history of this cell lineage. *Cell.*
Junion G, Bataille L, Jagla T, Daponte JP, Tapin R, Jagla K. **2007.** Genome wide view of cell fate specification: ladybird acts at multiple levels during diversification of muscle and heart precursors. *Genes & Development.*
Junion G, Jagla T, Tapin R, Daponte JP, Jagla K. **2005.** Mapping Dmef2-binding regulatory modules by using a ChIP-enriched *in silico* targets approach. *PNAS.*

Titulaire Nom : **ETCHEVERS** Prénom : Heather Collège : B1 Section : CSS1
Suppléant Nom : **JUNION** Prénom : Guillaume Collège : B1 Section : CSS1

Profession de Foi

la Société Française de Biologie Cellulaire (SBCF)
et
la Société Française de Biologie du Développement (SFBD)



Notre candidature est soutenue par la Société Française de Biologie du Développement (SFBD)

La Société de Biologie Cellulaire de France (SBCF) et la Société Française de Biologie du Développement (SFBD), fortes de plus de 2600 adhérents ont comme mission de promouvoir la recherche fondamentale et ses applications en organisant et soutenant des conférences du domaine, en offrant des bourses et des prix aux plus jeunes chercheurs talentueux et en diffusant les offres d'emploi dans notre discipline.

La SBCF et la SFBD soutiennent l'excellence comme critère de recrutement des chercheurs qui développeront des projets de recherche ambitieux et originaux. Les membres des deux sociétés s'impliquent dans le fonctionnement de la recherche par le biais de représentants dans les Commissions Scientifiques Spécialisées (CSSs) de l'Inserm, dans les sections du Comité National de la Recherche Scientifique (CoNRS) du CNRS, et dans l'ITMO Biologie Cellulaire, Développement et Evolution (BCDE).

Si nous sommes élus, nous nous engageons à promouvoir :

- une évaluation scientifique rigoureuse et transparente qui prenne en compte **l'ensemble** des missions dévolues aux personnels de recherche:
 - a) le développement des connaissances
 - b) leur transfert et leur application dans les entreprises, et dans tous les domaines contribuant au progrès de la société
 - c) la diffusion de l'information et de la culture scientifique et technique dans toute la population, et notamment parmi les jeunes
 - d) la participation à la formation initiale et à la formation continue
 - e) l'administration de la recherche
 - f) l'expertise scientifique.
- une prise en compte équilibrée des différents champs de recherche, des plus fondamentaux en biologie aux plus appliqués ou transversaux.
- une évaluation des structures de recherche qui inclut la place faite aux plus jeunes chercheurs, aux équipes émergentes et la promotion du rôle et des missions des ITA.
- le rôle essentiel des CSSs de l'Inserm, des sections du CoNRS à la fois dans l'évaluation et dans la prospective. Nous participerons à leur nécessaire évolution, afin de renforcer leur efficacité dans la tâche d'évaluation des personnels et des structures.
- une meilleure et constante **concertation** entre les différents opérateurs de recherche.

Nous nous engageons également à **rendre compte** des évolutions sur ces divers points, et à ce que les conclusions des différentes sessions des commissions soient communiquées dans la plus grande transparence et dans le respect de la confidentialité des débats, au travers de la SBCF et la SFBD ainsi que directement auprès de tous les chercheurs et ITA inscrits dans les sections dans lesquels des représentants se réclamant de la SBCF et la SFBD seront élus.

Les progrès futurs de la recherche et de l'innovation ne peuvent s'affranchir d'un soutien sans faille à la recherche fondamentale, dans toute sa diversité d'acteurs comme de sujets de recherche, avec comme seul critère de jugement celui de la qualité scientifique.

| CANDIDATURE

ROBERT Guillaume - Titulaire

DJAVAHERI-MERGNY MOJGAN - Suppléant(e)

CSS1 - Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège B1 - Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Élection aux commissions scientifiques spécialisées (CSS)

Choix de la CSS	CSS1
Intitulé de la CSS	Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège

Choix du collège	B1
Description du collège	Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Candidat.e - Informations

Civilité	Monsieur
Nom usuel	ROBERT
Prénom	Guillaume
Grade	CRCN
Appartenance / Organisme employeur	INSERM
Affectation / Numéro de la structure	U1065
Affectation / Intitulé de la structure	C3M
Nom du directeur de l'unité	AUBERGER
Prénom du directeur de l'unité	Patrick
Vague d'évaluation [Structure d'accueil]	C
Statut	Titulaire
Nom - Candidat.e associé.e	DJAVAHERI-MERGNY
Prénom - Candidat.e associé.e	MOJGAN
Vague d'évaluation - Candidat.e associé.e	D

Cursus - Expérience professionnelle - Publications sur l'ensemble de la carrière - Valorisation

Diplômes et expériences professionnelles principales

2018 **Habilitation à Diriger les Recherches, Université Cote d'Azur, Nice, France.**
2017 **Chargé de recherche 1ere classe INSERM U1065, C3M, Equipe 2, Nice, France.**
2013 **Chargé de recherche 2eme classe INSERM U1065, C3M, Equipe 2, Nice, France. Projet de recherche :** Décryptage des mécanismes de résistances à l'azacytidine dans les SMD/LAM : validation de nouvelles thérapies.
2007 **Chercheur sous contrat post-doctoral, INSERM U1065, C3M, Nice, France. Directeur du laboratoire :** Dr. AUBERGER
2007 **Doctorat de biologie Moléculaire et Cellulaire, Université de Nice, France. Laboratoire :** Biologie et Physiopathologie de la cellule mélanocytaire, Unité 597, INSERM
2001 **Diplôme d'Etudes Approfondies de Pharmacologie, Université de Nancy, France. Laboratoire :** Pharmacologie de sécurité - Expertise préclinique des médicaments. **Mention :** Métabolisme et mécanismes d'actions des médicaments
2000 **Maîtrise de Biochimie, Université de Nice, France. Mention :** Chimie des hétérocycles et synthèse de médicaments

Domaines disciplinaires et méthodologiques

- Morts cellulaires (Apoptose, Autophagie, Ferroptose)
 - Décryptage fonctionnelle du Lysosome (Purification d'organelles, Autophagie Médiée par les chaperonnes, Perméabilisation de la membrane lysosomale, Quantification de l'activité des protéases lysosomales)
- Cellules souches hématopoïétiques et différenciation (Cytométrie en flux)
 - Chemobiologie (Développement de traitements chimiothérapeutiques innovants dans le cadre d'une collaboration biologie-chimie-clinique)
 - Hémopathies Myéloïdes de la personne âgée (Analyse des prélèvements de patients atteints de SMD/LAM dans le cadre d'un CPP).

Institut thématique	Cancer
Mots-clés	Hémopathie, Autophagie, Protéostase, Chemobiologie, Lysosome

Réalisations principales - 5 maximum

54 Publications, Indice h=29, 7 Brevets dont 2 licenciés, 1 essai clinique.

Zerhouni M, Martin AR, Furstoss N, Abbe P, Jacquél A, Tulic MK, Cluzeau T, O'Hara BP, Ben-Sahra I, Passeron T, Benhida R, , Auberger P*, Rocchi S*, **Robert G***. Dual Covalent Inhibition of PKM and IMPDH Targets Metabolism in Cutaneous Metastatic Melanoma. **Cancer Res.** 2021 Jul 15;81(14):3806-3821. ***Co-dernier**
Robert G, Jacquél A, and Auberger P. Chaperone-Mediated Autophagy and Its Emerging Role in Hematological Malignancies. **Cells.** 2019 Oct 16;8(10):1260
Amdouni H*, **Robert G***, Driowya M, Furstoss N, Bougrin K, Martin A.R, Auberger P and Rachid Benhida R. In Vitro and in Vivo Evaluation of Fully Substituted (5-(3-Ethoxy-3-oxopropynyl)-4-(ethoxycarbonyl)-1,2,3-triazolyl-glycosides as Original Nucleoside Analogues to Circumvent Resistance in Myeloid Malignancies. **J. Med. Chem.** 2017 **Co-First**
Hamouda M.A, Arnaud Jacquél, **Robert G.**, Alexandre Puissant, Bertrand Nadel, Thomas Cluzeau, Kenneth Anderson, Jean-Gabriel Fuzibet, Patrick Auberger, and Frederic Luciano. BCL-B (BCL2L10) is overexpressed in patients suffering from multiple myeloma (MM) and drives a MM-like disease in transgenic mice. **J. Exp. Med.** 2016 Aug 22;213(9):1705-22. doi: 10.1084/jem.20150983.
Peyrade F, Re D, Ginet C, Gastaud L, Allegra M, Ballotti R, Thyss A, Zenz T, Auberger P, **Robert G.** Low-dose vemurafenib induces complete remission in a case of hairy-cell leukemia with a V600E mutation. **Haematologica.** 2013 Feb;98(2):e20-2.

CSS1 Elections 2021

Profession de foi

Nom : ROBERT ; **Prénom :** Guillaume

Qui suis-je ?

J'ai 44 ans, je suis marié et père de deux enfants de 12 et 15 ans. J'ai intégré l'INSERM en 2013 en tant que CR2 dans la CSS8 puis j'ai demandé un rattachement à la CSS2 dans laquelle je été promu CR1 en 2017 avant le changement de statut en CRCN. Mon cursus universitaire est composé d'une maîtrise de biochimie, d'un DEA de pharmacologie clinique, d'une thèse de sciences dans le domaine de l'onco-dermatologie. J'ai enfin réalisé un stage postdoctorale dans le domaine de l'onco-hématologie dans le laboratoire du Dr. Patrick Auberger, laboratoire dans lequel je mène toujours mes recherches au sein du Centre Méditerranéen de Médecine Moléculaire à Nice.

Mes activités de recherche portent depuis des années sur la compréhension des mécanismes moléculaire impliqués dans la mort cellulaire. J'ai tout d'abord travaillé sur les processus de mort apoptotique afin de mieux les mécanismes de résistance aux chimiothérapies dans les hémopathies myéloïdes. Je m'intéresse depuis maintenant 10 ans à différentes formes d'autophagie, aussi bien la macro-autophagie que l'autophagie médiée par les chaperonnes. Ces études m'ont conduit à mettre en place des modèles très intéressants nous permettant d'invalider les différentes formes d'autophagie afin de démontrer leurs impacts sur la différenciation des cellules hématopoïétiques mais également l'apparition des leucémies.

Je collabore avec de nombreuses personnes dans le domaine de l'autophagie aussi bien en France qu'ailleurs en Europe et j'ai eu l'honneur de faire partie du bureau scientifique du CFATG (Club Francophone de l'Autophagie) pendant 3 ans. De plus, mon laboratoire fait partie du COST européen TRANSAUTOPHAGY. Je me suis également impliqué dans différentes activités d'évaluation, que ce soit dans des jurys de thèse, des comités d'évaluation (HCERES), ou via l'évaluation de projets scientifiques pour différents Fondations et organisations (ARC, Cancéropole,...).

Pourquoi candidater ?

J'ai consacré la plupart de mon temps depuis mon recrutement à mes projets de recherche, à la formation d'étudiants en Master et en Thèse ainsi qu'à des comités d'évaluation au niveau local. J'aimerais maintenant prendre une part plus active dans la vie scientifique de l'INSERM au niveau national et participer à l'accompagnement et au recrutement des jeunes chercheurs et collaborateurs de demain.

Dans ce but, je pense pouvoir apporter une réelle expertise à la CSS1 dans le domaine de la **mort cellulaire**, de l'**autophagie** mais également de la **chemobiologie** au vu de mon cursus et des collaborations que j'ai su établir au cours de ces années. Enfin dans une démarche de candidature en binôme, je m'associe à Mme **Mojgane Djavaheri-Mergny** que j'estime beaucoup au niveau personnel et scientifique et dont l'expertise dans le domaine de l'**autophagie** est absolument indiscutable. Je m'engage devant vous à faire preuve de rigueur scientifique, d'une grande équité et de bienveillance envers tous les candidats.

Guillaume ROBERT

| CANDIDATURE

DJAVAHERI MERGNY Mojgan - Suppléant(e)

ROBERT Guillaume - Titulaire

CSS1 - Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège B1 - Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Élection aux commissions scientifiques spécialisées (CSS)

Choix de la CSS	CSS1
Intitulé de la CSS	Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège

Choix du collège	B1
Description du collège	Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Candidat.e - Informations

Civilité	Madame
Nom usuel	DJAVAHERI MERGNY
Prénom	Mojgan
Grade	CHARGÉE DE RECHERCHE HORS CLASSE
Appartenance / Organisme employeur	INSERM
Affectation / Numéro de la structure	UMRS1138
Affectation / Intitulé de la structure	Centre de recherche des Cordeliers , UMRS 1138
Nom du directeur de l'unité	ZUCMAN-ROSSI
Prénom du directeur de l'unité	Jessica
Vague d'évaluation [Structure d'accueil]	D
Statut	Suppléant(e)
Nom - Candidat.e associé.e	ROBERT
Prénom - Candidat.e associé.e	Guillaume
Vague d'évaluation - Candidat.e associé.e	C

Cursus - Expérience professionnelle - Publications sur l'ensemble de la carrière - Valorisation

Diplômes et expériences professionnelles principales

Diplômes

- 1993: Doctorat en Sciences Biologie, Spécialité Pharmacologie, université de Paris XI. Effet des rayonnements ultraviolets A sur les processus d'endocytose et le métabolisme des lipides.
- 2008: Habilitation à diriger des recherches, université de Paris XI. Etude des mécanismes moléculaires impliqués dans la progression tumorale.
- 2020: Diplôme universitaire d'expérimentation animale, université de Paris.

Expériences professionnelles :

- 1993-1995: Chercheur post-doctorant à l'unité mixte 133 CNRS-Rhône Poulenc Rorer. Transfert de gènes à l'aide des vecteurs chimiques de l'ADN.
- 1995-1999: Chargée de recherche (CR)2 Inserm affectée à l'INSERM U312, Paris. Etude des mécanismes d'action des rayonnements ultraviolets.
- 1999- 2003: CR1 affectée à l'INSERM U365, Paris. Mécanismes moléculaires impliqués dans la résistance à l'apoptose des tumeurs.
- 2003-2009: CR1 affectée à l'INSERM U 756, Châtenay-Malabry. Rôle de l'autophagie dans le contrôle de la mort des cellules tumorales.
- 2009-2018: CR1 affecté à l'INSERM U 1218, Bordeaux. Rôle de l'autophagie dans la différenciation et la sénescence des cellules cancéreuses.
- 2019-présent: CRHC affectée à l'UMRS 1138, Paris. Rôle et des lysosomes dans la gestion du stress cellulaire.

Domaines disciplinaires et méthodologiques

Domaines disciplinaires et méthodologiques :

- Lysosomes (Activité lysosomale, Autophagie, Autophagie Sélective, Perméabilisation de la membrane lysosomale).
- Morts cellulaires (Apoptose, Autophagie, Mort Immunogénique).
- Signalisation cellulaire.
- Différenciation des cellules hématopoïétiques.
- Sénescence et dommages à l'ADN.
- Métabolisme oxydatif et régulation des systèmes antioxydants cellulaires.
- Facteurs de transcription (i.e. NF-kappaB, TFEB).
- Chemobiologie(développement de nouveaux ligands d'ADN efficaces contre le cancer en collaborations avec les chimistes).

Institut thématique	Cancer
Mots-clés	Biologie cellulaire, autophagie, morts cellulaires, signalisation cellulaire, lysosomes,cancer

Réalisations principales - 5 maximum

Production (74 Publications dont 35 originaux, Indice h=30, trois brevets dont un licencié).

- Beauvarlet J, Bensadoun P, Darbo E, Labrunie G, Rousseau B, Richard E *et al.* Modulation of the ATM/autophagy pathway by a G-quadruplex ligand tips the balance between senescence and apoptosis in cancer cells. **Nucleic Acids Res.** 2019; 8;47(6):2739-2756. PMID: 30759257. *Auteure correspondante.*
- Trocoli A, Bensadoun P, Richard E, Labrunie G *et al.* p62/SQSTM1 upregulation constitutes a survival mechanism that occurs during granulocytic differentiation of acute myeloid leukemia cells. **Cell Death Differ.** 2014;21(12):1852-61. PMID: 25034783. *Auteure correspondante.*
- Trocoli A, Mathieu J, Priault M, Reiffers J, Souquère S, Pierron G, Besançon F, *Djavaheri-Mergny M.* ATRA-induced upregulation of Beclin 1 prolongs the life span of differentiated acute promyelocytic leukemia cells. **Autophagy.** 2011;7(10):1108-14. PMID: 21691148. *Auteure correspondante.*
- *Djavaheri-Mergny M,* Amelotti M, Mathieu J, Besançon F, Bauvy C, Souquère S, Pierron G, Codogno P. NF-kappaB activation represses tumor necrosis factor-alpha-induced autophagy. **J Biol Chem.** 2006 ;13;281(41):30373-82. PMID: 16857678. *Auteure correspondante*
- *Djavaheri-Mergny M,* Wietzerbin J, Besançon F. 2-Methoxyestradiol induces apoptosis in Ewing sarcoma cells through mitochondrial hydrogen peroxide production. **Oncogene.** 2003;22(17):2558-67. PMID: 12730670. *Auteure correspondante.*

Objet : profession de foi candidature pour l'élection de nouveaux membres de CSS1

Chers collègues,

Par la présente, j'ai l'honneur de présenter ma candidature pour l'élection de nouveaux membres de la CSS1.

Cette demande est motivée par mon souhait de participer avec enthousiasme à la promotion des différents champs de recherche à l'Inserm, des plus fondamentaux aux plus appliqués.

Biochimiste et biologiste cellulaire de formation, j'ai intégré l'INSERM en 1994. Mon intérêt pour l'autophagie est né quand j'ai rejoint, en 2003, l'équipe du Dr. Patrice Codogno, dans laquelle j'ai eu l'opportunité de développer des projets axés sur le dialogue moléculaire entre l'autophagie et la mort cellulaire. Mes travaux actuels portent sur le rôle de l'autophagie et plus généralement des lysosomes dans l'homéostasie cellulaire. Mon implication en tant que membre élu de plusieurs comités et bureaux scientifiques (Cancéropôle GSO, Fédération de recherche (FR) Transbiomed, Club Francophone de l'autophagie) m'a permis de prendre connaissance de l'environnement de la recherche au niveau national et d'être impliquée dans le conseil sur les orientations stratégiques et scientifiques de ces comités. Je me suis aussi investie dans des actions collectives pour promouvoir la science auprès du grand public (fête de la science, présentation de l'autophagie dans des quotidiens et émissions TV régionales). Enfin, J'ai encadré plusieurs doctorantes et étudiants et enseigné les bases moléculaires de l'autophagie aux étudiants de Master.

Dans le prochain quinquennat, le périmètre de la future CSS1 va comprendre un nombre élevé de disciplines et sous-disciplines parfois très différentes, allant de la biologie cellulaire à la biologie moléculaire et structurale. Avec ma double formation en biochimie et biologie cellulaire, je pense pouvoir contribuer à l'évaluation dans plusieurs disciplines, notamment dans le domaine de la mort cellulaire et de l'autophagie. Je suis associée pour cette candidature en binôme à monsieur Guillaume Robert, avec lequel j'ai établi plusieurs collaborations et dont l'expertise dans le domaine de de l'autophagie et la mort cellulaire est incontestable.

Je m'engage tout particulièrement à promouvoir : i) une évaluation scientifique rigoureuse, équitable et transparente qui prenne en compte toutes les missions dévolues aux personnels de recherche ; ii) la diffusion de l'information et de la culture scientifique et technique dans toute la population, et notamment parmi les jeunes ; iii) l'importance d'une répartition équilibrée des différents champs de recherche et à défendre la recherche fondamentale dans toute sa diversité.

Ce serait un grand honneur de participer à cette commission, et plus généralement aux missions de l'Inserm.

Très sincèrement,

Mojgan Djavaheiri-Mergny



CANDIDATURE

SCIONTI Isabella - Titulaire

JULLIEN Jérôme - Suppléant(e)

CSS1 - Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège B1 - Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Élection aux commissions scientifiques spécialisées (CSS)

Choix de la CSS	CSS1
Intitulé de la CSS	Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège

Choix du collège	B1
Description du collège	Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Candidat.e - Informations

Civilité	Madame
Nom usuel	SCIONTI
Prénom	Isabella
Grade	CRCN
Appartenance / Organisme employeur	INSERM
Affectation / Numéro de la structure	U1217
Affectation / Intitulé de la structure	INMG
Nom du directeur de l'unité	SCHAEFFER
Prénom du directeur de l'unité	Laurent
Vague d'évaluation [Structure d'accueil]	A
Statut	Titulaire
Nom - Candidat.e associé.e	JULLIEN
Prénom - Candidat.e associé.e	Jérôme
Vague d'évaluation - Candidat.e associé.e	B

Cursus - Expérience professionnelle - Publications sur l'ensemble de la carrière - Valorisation**Diplômes et expériences professionnelles principales**

Diplômes :

Novembre 2017 : PhD en Biologie Moléculaire et Cellulaire, École Normale Supérieure, Lyon, France.

Mars 2015 : PhD en Neurosciences, Université de Modena et Reggio Emilia, Modena, Italie.

Décembre 2009 : Internat en génétique médicale, Université de Trieste, Trieste, Italie.

Mars 2005 : Master 2 en Biotechnologie Pharmaceutique, Université de Bologna, Bologna, Italie.

Expériences professionnelles :

Octobre 2018- à ce jour : CRCN Inserm, INMG, Lyon France. Role of Demethylases in modulating Muscle stem cell plasticity and skeletal muscle regeneration.

Octobre 2017-Septembre 2018 : Post-doctorante à l'INMG, Lyon, France. Study of the role of two histone demethylases during skeletal muscle development.

Octobre 2013- Septembre 2017 : Étudiante en thèse à l'École Normale Supérieure, Lyon, France. Dissect the epigenetics mechanisms in muscle pathologies.

Septembre 2012 - Mai 2013 : Étudiante en thèse à l'Université de Massachusetts Medical school, Program in gene function and expression. Worcester, MA, USA. Identification of new genetic factors that could influence the FSHD outcome.

Février 2008 - Août 2012 : Interne/étudiante en thèse à l'Université de Modena et Reggio Emilia, Modena, Italie. Evaluation of the frequency of the FSHD genetic defect in the general population.

Septembre 2005 - Janvier 2008 : Interne à l'hôpital Rizzoli, Bologna, Italie. Investigation of the pharmacogenomics and drug resistance in the osteosarcoma cancer.

Domaines disciplinaires et méthodologiques**Domaines disciplinaires**

Étude des mécanismes épigénétiques responsables de la régulation du programme d'expression des gènes associés à la différenciation et au développement des muscles.

Méthodologiques

Cultures de cellules tumorales in vitro. Cultures primaires de fibroblastes et de cellules souches musculaires. Technique de Real time and classique de PCR. Technique de Western blotting. Méthode EMSA (Electrophoretic Mobility Shift Assay). Clonage de gènes. Transformation de bactéries avec des vecteurs de clonage. Production d'anticorps monoclonaux. CGH (Comparative Genomic Hybridization). FISH (Fluorescence In Situ Hybridization). Extraction des noyaux, des chromosomes et des acides nucléiques (ARN et ADN). Immunohistochimie. Techniques de transfection et d'extinction de gènes. Électrophorèse sur gel à champ pulsé (PFGE). Technique de Southern blotting. Préparation de lignées lymphoblastoïdes. Immunofluorescence. Single cells RNA seq. Souris transgéniques.

Institut thématique

Bases moléculaires et structurales du vivant

Mots-clés

épigénétique, transcription, cellules souches, régulation post-transcriptionnelle, régénération, muscle, destin cellulaire

Réalisations principales - 5 maximum

Isabella Scionti, et al. "LSD1 controls timely *MyoD* expression via *MyoD* Core Enhancer transcription". *Cell Rep.* (2017) 21;18(8):1996-2006.

Giulia Ricci* Isabella Scionti*, et al. "Large scale genotype–phenotype analyses indicate that novel prognostic tools are required for facioscapulohumeral muscular dystrophy families". *Brain* (2013) doi: 10.1093/brain/awt226. *Equal First Authors.

Isabella Scionti, et al. "Facioscapulohumeral muscular dystrophy: new insights from compound heterozygotes and implication for prenatal genetic counselling". *J Med Genet.* (2012) 49(3):171-178.

Isabella Scionti, et al. "Large scale population analysis challenges the current criteria for the molecular diagnosis of facioscapulohumeral muscular dystrophy (FSHD)". *Am J Hum Genet.* (2012) 6;90(4):628-635.

Scionti I., et al. "Clinical impact of the methotrexate resistance-associated genes C-MYC and dihydrofolate reductase (DHFR) in high-grade osteosarcoma". *Ann Oncol.* (2008) 19(8):1500-1508.

Chère collègue, cher collègue,

Je m'appelle Isabella Scionti et j'ai commencé ma formation scientifique en Italie par un master en biotechnologie pharmaceutique portant sur l'étude de la régulation de l'expression des gènes dans les maladies. J'ai ensuite approfondi mes connaissances sur la base génétique de la dystrophie musculaire FSHD aux États-Unis. Mes travaux ont démontré que les modificateurs épigénétiques jouent un rôle clé dans la sévérité de la FSHD. Afin d'améliorer mon expérience sur les mécanismes épigénétiques, j'ai poursuivi mes recherches en France sur la régulation du programme d'expression des gènes associés à la différenciation et au développement des muscles. Ces travaux m'ont permis d'être recrutée en 2018 en tant que CRCN à l'Institut NeuroMyoGène (INMG) à Lyon. Je suis candidate à la CSS 1 en binôme avec Jérôme Jullien car je souhaite m'investir dans une des instances d'évaluation les plus importantes de notre Institut de recherche en défendant les principes d'une évaluation par les pairs, démocratique, transparente, collégiale, juste et contradictoire. Je m'engage à promouvoir une recherche intègre et responsable, au bénéfice du bien commun.

Pour l'évaluation des structures

Les CSS ont pour mission d'évaluer la politique scientifique des laboratoires i) en participant à des comités d'expert·e·s organisés par le Haut conseil de l'évaluation de la recherche et de l'enseignement supérieur (HCERES), ii) en évaluant elles-mêmes la pertinence des rapports émis par ces comités.

Je veillerai à ce que l'évaluation soit de qualité, collégiale, contradictoire et nationale, en restant à l'écoute de l'ensemble de la communauté scientifique au-delà des disciplines et des thématiques de recherche.

Je veillerai à ce que, lors de l'examen des laboratoires, soient dûment évaluées les conditions de travail de tous les personnels des laboratoires quel que soit leur statut, ainsi que leur contribution à l'avancée des connaissances et des techniques. Je veillerai à la participation des ingénieur·e·s et technicien·ne·s du collège C aux comités d'évaluation des unités et à la prise en compte des conditions de travail de tous, titulaires ou contractuels, dans l'évaluation des laboratoires.

Pour l'évaluation des chercheurs et des chercheuses

Je défends le concept d'une évaluation « conseil » de l'activité des chercheuses et des chercheurs par une écoute et des propositions bienveillantes et je m'oppose à toute dérive vers une évaluation « sanction ».

J'aurai à cœur de prévenir tout dérapage vers la facilité d'une évaluation fondée sur la seule bibliométrie et ferai prévaloir en toute circonstance que l'activité d'une chercheuse ou d'un chercheur est multiple et que toutes ses contributions doivent être prises en compte. Je rappellerai que ce qui compte, ce n'est pas le nombre de publications mais leur qualité, qui ne peut être évaluée qu'en analysant leur contenu et leur portée.

Je veillerai à bien prendre en compte les conditions de travail individuelles et collectives (structures de recherche, financements...) et toutes les contraintes de

Enfin je m'engage

- À travailler de façon équitable avec mon binôme au cours de toute la mandature
- À rendre compte à la communauté de mes activités au sein de la CSS, en particulier je serai disponible pour expliciter les avis de la CSS sur l'activité des chercheuses et des chercheurs
- À agir pour la défense de la recherche publique et de l'Inserm

Parce que je m'engage,
ma candidature est soutenue par le SNCS-FSU
<https://sncs.fr/>

l'environnement scientifique, social, relationnel et administratif que subissent les collègues dans l'exercice de leur métier.

En cas de difficultés professionnelles, je veillerai à ce que tous les moyens de prévention, d'investigation (communication des dossiers, commission d'enquête) et de discussions directes avec les intéressé·e·s soient utilisés. Je veillerai à ce qu'un soutien collégial soit apporté pour aider à résoudre ces difficultés.

Pour les promotions CRHC

Je considère que tous les chercheurs et toutes les chercheuses devraient au cours de leur carrière être promu·e·s soit DR soit CRHC. Aujourd'hui, beaucoup de CRCN sont bloqué·e·s depuis plus de 10 ans au dernier échelon. Aussi je veillerai à ce que ces CRCN soient promus en priorité.

Pour toutes les promotions, j'encouragerai ma CSS à demander que le nombre de postes ouverts permette la promotion de toutes les personnes qui y aspirent légitimement en raison de leur travail.

Pour les concours CR et DR

J'exigerai des conditions d'examen des dossiers qui garantissent l'équité de traitement des candidat·e·s en tenant compte de la spécificité des parcours et des thématiques de recherche. Je défendrai les concours devant les CSS comme seules procédures permettant le recrutement des agents à l'exclusion de procédures échappant à la collégialité et à la transparence.

Dans tous les cas (promotions, concours) je veillerai à détecter autant que possible tout biais, personnel ou collectif, pouvant altérer la qualité de l'évaluation des candidat·e·s. Déjà sensibilisée aux questions de parité et plus généralement d'égalité des chances, je veillerai à promouvoir ces valeurs, afin de réduire les inégalités persistantes observées dans les recrutements et les promotions des chercheuses et des chercheurs.





CANDIDATURE

JULLIEN Jérôme - Suppléant(e)

SCIONTI ISABELLA - Titulaire

CSS1 - Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège B1 - Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Élection aux commissions scientifiques spécialisées (CSS)

Choix de la CSS	CSS1
Intitulé de la CSS	Biologie cellulaire, moléculaire et structurale

Collège

Choix du collège	B1
Description du collège	Chargés de recherche de l'Inserm / Chargés de recherche d'un EPST autre que l'Inserm affectés dans une structure de l'Inserm

Candidat.e - Informations

Civilité	Monsieur
Nom usuel	JULLIEN
Prénom	Jérôme
Grade	CRCN
Appartenance / Organisme employeur	inserm
Affectation / Numéro de la structure	
Affectation / Intitulé de la structure	UMR1064 CRTI
Nom du directeur de l'unité	JOSIEN
Prénom du directeur de l'unité	regis
Vague d'évaluation [Structure d'accueil]	B
Statut	Suppléant(e)
Nom - Candidat.e associé.e	SCIONTI
Prénom - Candidat.e associé.e	ISABELLA
Vague d'évaluation - Candidat.e associé.e	A

Cursus - Expérience professionnelle - Publications sur l'ensemble de la carrière - Valorisation

Diplômes et expériences professionnelles principales

Diplômes:

2020: Habilitation à diriger des recherches (HDR).

1997-2001 : PhD, Ecole Normale Supérieure de Lyon « Expression and fate of Nerve Growth factor receptors p75NTR and TrkA ».

1996-1997: D.E.A of Differentiation, Genetics and Immunology

1994-1995: Preparation to the « Aggregation Sciences de la vie et de la terre (National competitive examination to become teacher in College) ».

Expérience professionnelle

2019- current, INSERM UMR1064 Nantes, France; Principal investigator

2012- 2019, Wellcome Trust CRUK Gurdon Institute, Cambridge, UK, Senior Research Scientist

2003- 2012, Wellcome Trust CRUK Gurdon Institute, Cambridge, UK, Post-Doctoral fellow

2001- 2003, Aptanomis (biotach company), Lyon, France, Research Scientist

Domaines disciplinaires et méthodologiques

J. Jullien's group investigates the epigenetic mechanisms responsible for the establishment and maintenance of cell fate. We focus on (i) how the germ cells epigenome is programmed to contribute to early embryonic development and (ii) how, once established, cell fates are stabilised by epigenetic mechanisms. We use epigenome profiling analysis (MNase-seq, ChIP-seq, ICe-ChIP-seq) to delineate the cellular epigenetic status. We then carry out assays to functionally evaluate the role of epigenetic cues in cell fate regulation. To that end we carry out epigenome editing of germ cell or somatic cell and evaluate its impact on embryo development following fertilisation or nuclear transfer, respectively. These investigations are primarily carried out in model animal (Xenopus, mouse) and then extended to human.

Institut thématique	Biologie cellulaire, développement et évolution
Mots-clés	epigenetique xenope histone sperm embryos programming reprogramming nuclear transfer

Réalisations principales - 5 maximum

Epigenetic programming of the male germ cell for the regulation of embryonic development

1. Oikawa, M. *et al.* Epigenetic homogeneity in histone methylation underlies sperm programming for embryonic transcription. *Nat. Commun.* (2020) doi:10.1038/s41467-020-17238-w.

2. Teperek, M. *et al.* Sperm is epigenetically programmed to regulate gene transcription in embryos. *Genome Res.* **26**, (2016).

Epigenetic

Epigenetic mechanisms stabilizing cell identity and restricting nuclear reprogramming

3. Jullien, J. *et al.* Gene Resistance to Transcriptional Reprogramming following Nuclear Transfer Is Directly Mediated by Multiple Chromatin-Repressive Pathways. *Mol. Cell* **65**, (2017).

4. Hörmanseder, E. *et al.* H3K4 Methylation-Dependent Memory of Somatic Cell Identity Inhibits Reprogramming and Development of Nuclear Transfer Embryos. *Cell Stem Cell* **21**, (2017).

Molecular and cellular mechanisms underlying appendage regeneration

5. Aztekin, C. *et al.* Identification of a regeneration-organizing cell in the Xenopus tail. *Science* (80-.). **364**, (2019).

Chère collègue, cher collègue,

Je m'appelle **Jérôme Jullien** et j'ai débuté ma formation scientifique à l'École Normale Supérieure de Lyon en évaluant l'impact du trafic intracellulaire de récepteurs membranaires sur la détermination du destin cellulaire. Après un bref passage dans une bio Tech, j'ai étendu mes études de la relation entre trafic intracellulaire de récepteur et destin cellulaire à un modèle animal au Gurdon Institute, Cambridge, UK. J'ai ensuite concentré mes efforts sur l'analyse des déterminants épigénétiques de l'identité cellulaire démontrant la contribution des modifications d'histones à l'établissement et à la stabilisation du destin cellulaire. J'ai rejoint l'INSERM en 2018 en tant que CRCN pour transférer les activités de mon groupe de recherche au CRTI-UMR1064 à Nantes. Je suis candidat à la **CSS 1** en binôme avec **Isabella Scionti** car je souhaite m'investir dans une des instances d'évaluation les plus importantes de notre Institut de recherche en défendant les principes d'une évaluation par les pairs, démocratique, transparente, collégiale, juste et contradictoire. Je m'engage à promouvoir une recherche intégrée et responsable, au bénéfice du bien commun.

Pour l'évaluation des structures

Les CSS ont pour mission d'évaluer la politique scientifique des laboratoires i) en participant aux qualités aux comités d'experts organisés par le Haut conseil de l'évaluation de la recherche et de l'enseignement supérieur (HCERES), ii) en évaluant elles-mêmes la pertinence des rapports émis par ces comités.

Je veillerai à ce que l'évaluation soit de **qualité**, **collégiale**, contradictoire et nationale, en restant à l'écoute de l'ensemble de la communauté scientifique au-delà des disciplines et des thématiques de recherche.

Je veillerai à ce que, lors de l'examen des laboratoires, soient dûment évaluées les conditions de travail de **tous les personnels** des laboratoires quel que soit leur statut, ainsi que leur contribution à l'avancée des connaissances et des techniques. Je veillerai à la participation des ingénieurs et techniciens du collège C aux comités d'évaluation des unités et à la prise en compte des conditions de travail de tous, titulaires ou contractuels, dans l'évaluation des laboratoires.

Pour l'évaluation des chercheurs et des chercheuses

Je défends le concept d'une **évaluation « conseil »** de l'activité des chercheuses et des chercheurs par une écoute et des propositions bienveillantes.

J'aurai à cœur de prévenir tout dérapage vers la facilité d'une évaluation fondée sur la seule bibliométrie et ferai prévaloir en toute circonstance que l'activité d'une chercheuse ou d'un chercheur est multiple et que toutes ses contributions doivent être prises en compte. Je rappellerai que **ce qui compte, ce n'est pas le nombre de publications mais leur qualité**, qui ne peut être évaluée qu'en analysant leur contenu et leur portée.

Enfin je m'engage

- A **travailler** de façon équitable **avec mon binôme** au cours de toute la mandature
- A **rendre compte** à la communauté de mes activités au sein de la CSS, en particulier je serai disponible pour expliciter les avis de la CSS sur l'activité des chercheuses et des chercheurs
- A agir pour la **défense de la recherche publique** et de l'Inserm

Je veillerai à bien prendre en compte les conditions de travail individuelles et collectives (structures de recherche, financements...) et toutes les contraintes de l'environnement scientifique, social, relationnel et administratif que subissent les collègues dans l'exercice de leur métier.

En cas de difficultés professionnelles, je veillerai à ce que tous les moyens de prévention, d'investigation (communication des dossiers, commission d'enquête) et de discussions directes avec les intéressés soient utilisés. Je veillerai à ce qu'un **soutien collégial** soit apporté **pour aider** à résoudre ces difficultés.

Pour les promotions CRHC

Pour toutes les promotions, j'encouragerai ma CSS à demander que le nombre de postes ouverts permette la promotion de toutes les personnes qui y aspirent légitimement en raison de leur travail.

Pour les concours CR et DR

J'exigerai des conditions d'examen des dossiers qui garantissent **l'équité de traitement** des candidats en tenant compte de la spécificité des parcours et des thématiques de recherche. Je défendrai les concours devant les CSS comme seules procédures permettant le recrutement des agents à l'exclusion de procédures échappant à la collégialité et à la transparence.

Dans tous les cas (promotions, concours) je veillerai à détecter autant que possible tout biais, personnel ou collectif, pouvant altérer la qualité de l'évaluation des candidats. Déjà **sensibilisée aux questions de parité** et plus généralement d'égalité des chances, je veillerai à promouvoir ces valeurs, afin de réduire les inégalités persistantes observées dans les recrutements et les promotions des chercheuses et des chercheurs.